
541 AAAGCCTGGG GTCCTAATG AGTGAGCTAA CTCACATTAA TTGCGTTGCG CTCACTGCC
601 GCTTCCAGT CGGAAACCT GTCGTGCCAG CTGCATTAAT GAATCGGCCA ACGCGCGGG
661 AGAGGCGGTT TCGTATTGG GCGCTTCC GCTTCCTCGC TCACTGACTC GCTGCGCTCG